



NAPOTNICA ZA MOLEKULARNO GENETSKO PREISKAVO:
GENOZIPACIJA TKIV ZA NAMEN ZDRAVLJENJA, PROGNOZE IN DIAGNOZE

PODATKI O BOLNIKU

Priimek in ime:

(nalepka)

Datum rojstva:

Št. popisa:

KZZ/št.kartice:

Spol: ženski moški

Klinična diagnoza (šifra diagnoze po MKB-10):

Patohistološka diagnoza (za patologe):

Razlog napotitve:

načrtovanje zdravljenja diferencialna diagnoza

Prednostna obravnavna: da

Datum napotnice:

PODATKI O VZORCU

ČE MATERIAL NI SHARNJEN NA OIL, NAPOTNICI PRILOŽITI KOPJO HISTOPATOLOŠKEGA IZVIDA!

| Vrsta vzorca: | Vzorec odvzet iz (lokalizacija): | Št. biopsije in št. bloka: | Delež tumorskih/ spremenjenih celic v vzorcu: | Datum odvzema vzorca: | Ustanova, kjer je shranjen vzorec: |
|---|--|----------------------------|---|--------------------------|---------------------------------------|
| <input type="checkbox"/> parafinski blok | <input type="checkbox"/> primarni tumor: | _____ | _____ | _____ | _____ |
| <input type="checkbox"/> aspiracijska biopsija | <input type="checkbox"/> zasevek: | _____ | _____ | _____ | _____ |
| <input type="checkbox"/> punktat kostnega mozga | <input type="checkbox"/> netumorsko tkivo: | _____ | _____ | _____ | _____ |
| <input type="checkbox"/> kri | <input type="checkbox"/> drugo: _____ | | | | |

ZAHTEVANE PREISKAVE

GENOTIPIZACIJA TUMORJA

OPOZORILO: sočasno naročanje (1) samo hot-spot mutacij z NGS in (2) obsežno večgensko testiranje (NGS+TMB) ni mogoče. V primeru, da sta označena oba, bo izvedeno (2) obsežno večgensko testiranje (NGS+TMB) in predviden čas do izvida bo daljši.

| Vrsta raka | Klinično pomembni geni (OPOMBA: niso navedeni celotni paneli genov) | (1) Določanje samo hot-spot (7 dni do izvida) | (2) NGS + TMB (14-21 dni do izvida) | (3) Določanje fuzij (14-21 dni do izvida) |
|--|--|---|--|---|
| <input type="checkbox"/> Rak debelega črevesa in danke | KRAS, NRAS, BRAF, ERBB2, NTRK in drugo | <input type="checkbox"/> NGS | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> Maligni melanom | BRAF, NRAS, KIT in drugo | <input type="checkbox"/> NGS | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> Rak pljuč (NSCLC) | ALK, BRAF, EGFR, ERBB2, FGFR2, FGFR3, KRAS, MET, NTRK1, NTRK2, NTRK3, RET, ROS1 in drugo | <input type="checkbox"/> NGS | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> Rak urotelija | FGFR2, FGFR3, NTRK in drugo | <input type="checkbox"/> NGS | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> Rak materničnega telesa | POLE in drugo | <input type="checkbox"/> RT-PCR | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> Rak dojki | PIK3CA, in drugo | <input type="checkbox"/> RT-PCR | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> Rak jajčnikov in PPSC | BRCA1/2, HRD | | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> Rak prostate | BRCA1/2, ATM in drugi HRR geni, MMR geni | | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> Rak trebušne slinavke | BRCA1/2, PALB2, NTRK in drugo | | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> GIST | KIT, PDGFRA in drugo | | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> Rak želodca | ERBB2, NTRK in drugo | | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> Holagiokarcinom | IDH1, FGFR2, ERBB2, NTRK in drugo | | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> Sarkom in druge mehkokrvne tворbe | | | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> Maligne novotvorbe neznanega izvora | | | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |
| <input type="checkbox"/> Maligne novotvorbe razno: | | | <input type="checkbox"/> | <input type="checkbox"/> |

Opombe k naročilu (npr. predlog panela, dodatnih tarčnih genov, posebnosti):

Obrazložitev:

Določanje samo hot-spot – določanje pogostih (hot-spot) mutacij, amplifikacij in fuzij v klinično pomembnih genih z metodo NGS (TMB se ne določa); NGS + TMB – obsežno večgensko testiranje tumorja – določanje pogostih (hot-spot) in neznanih mutacij, amplifikacij in fuzij ter določanje TMB (breme mutacij v tumorju); Določanje fuzij – določanje fizijskih transkriptov z metodo NGS. NGS – sekvenciranje naslednje generacije. RT-PCR – določanje klinično pomembnih različic z metodo PCR v realnem času. Celotni paneli genov so dostopni na spletni https://www.onko-i.si (Oddelek za molekularno diagnostiko).

OBRNI in IZPOLNI

OPOZORILO: Dokumenti so obvladovani elektronsko. Veljavnost dokumenta preverite v aplikaciji GovernmentConnect.
Samo za interno uporabo.



FARMAKOGENETIKA

- DPYD UGT1A1

DOLOČANJE MIKROSATELITSKE NESTABILNOSTI V TUMORJIH Z METODO PCR

- MSI - potrebno tumorsko in netumorsko tkivo ali vzorec krvi

DOLOČANJE METILACIJSKEGA STATUSA

- Določanje metilacijskega statusa promotorja gena MLH1 pri raku endometrija in raku debelega črevesa in danke (izključevanje sindroma Lynch)

LIMFOMSKA DIAGNOSTIKA

Določanje klonalnosti limfoidnih proliferacij

B limfociti Št. celic ____ $\times 10^6/ml$ Limfociti ____ % Limfociti B ____ % Limfociti T ____ %
 T limfociti Klonalnost limfocitov B: poliklonski kappa+ lambda+ drugo
Aberantni fenotip limfocitov T: ne da _____

Dokazovanje kromosomskih translokacij pri limfomih

- t(11;14) limfom plaščnih vzorec pred zdravljenjem
 t(14;18) folikularni MRD vzorec
 drugo:

Napotni zdravnik (ime, šifra, ustanova, telefon):

Podpis napotnega zdravnika (štampiljka):

Datum prejema napotnice:

Datum prejema materiala:

IZPOLNI ODDELEK ZA MOLEKULARNO
DIAGNOSTIKO

Prejel:

Prejel: